

MONTBÉLIARDE

WYCENA KWIECIEŃ 2022

- > Nowy ISU
- > Nowa metoda obliczania Single Step



Zmiana Formuły Łącznego Indeksu Hodowlanego (ISU) dla rasy Montbéliard

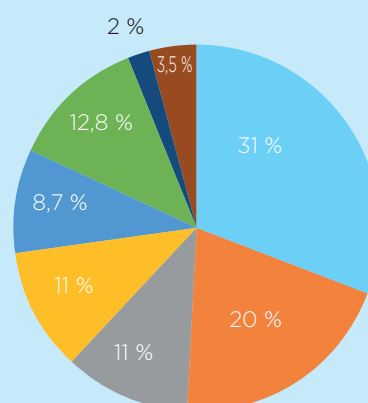
Ostatnia zmiana ISU pochodzi z 2012 r. Koniecznym było zaktualizowanie celów selekcji, aby odpowiadały rzeczywistości ekonomicznej stad, postępowi genetycznemu i zintegrowaniu nowych dostępnych cech. Nowy ISU został stworzony przez Stowarzyszenie Montbéliarde we współpracy z firmami selekcyjnymi i przy wsparciu Instytutu Hodowli (IDELE).



Znacząca ewolucja nowego ISU

- > Potwierdzenie mieszanego charakteru rasy Montbéliarde
- > Nadanie większej wagi cechom funkcjonalnym
- > Zrównoważenie wagi produkcji
- > Włączenie temperamentu doju

%	ISU 2012	ISU 2022
PRODUKCJA	45,0	31,0
ZDROWOTNOŚĆ WYMION	14,5	20,0
REPRODUKCJA	18,0	11,0
DŁUGOWIECZNOŚĆ	5,0	11,0
CECHY RZEŻNE	-	8,7
POKRÓJ	12,5	12,8
TEMPERAMENT	-	2
SZYBKOŚĆ DOJU	5,0	3,5



ISU 2022

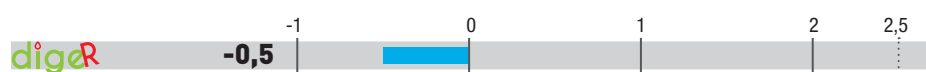
- PRODUKCJA
- ZDROWOTNOŚĆ WYMION
- REPRODUKCJA
- DŁUGOWIECZNOŚĆ
- CECHY RZEŻNE
- POKRÓJ
- TEMPERAMENT
- SZYBKOŚĆ DOJU

PRODUKCJA

Na poziomie produkcji Mleczny Indeks Ekonomiczny (INEL), ustępuje miejsca Łącznemu Indeksowi Mlecznemu.

Łączny Indeks Mleczny **+56**

Mleko (kg)	białko (kg)	tłuszcz (kg)	białko (%)	tłuszcz (%)	K-Cas	B-Cas	0 Córki
+1041	+47	+42	+1,9	-0,5	BB	A2A2	0 Stada
							CD 75%



POKRÓJ

Dostępna jest nowa tabela dla cech budowy i pokroju

Wśród znaczących ewolucji zwracamy uwagę na pojawienie się nowej Wartości Hodowlanej dla Budowy i Pokroju, która łączy punkty: Tułów i Zad oraz pojawienie się nowego wskaźnika Rozstaw Tylnych Strzyków w Łącznym Indeksie Wymienia.

> ŁĄCZNY INDEKS POKROJU

ŁĄCZNY INDEKS POKROJU łączy podstawowe pozycje **TUŁOWIA** i **ZADU**.

POKRÓJ = 30% szerokość klatki + 20% głębokość klatki
+ 25% szerokość zadu + 25% długość zadu.

	88	100	112	124	130
KALIBER	105	<i>Słaby</i>			<i>Doskonały</i>
SZEROKOŚĆ KLATKI	111	<i>Wąska</i>			<i>Szeroka</i>
GŁĘBOKOŚĆ KLATKI	110	<i>Płytka</i>			<i>Głęboka</i>
SZEROKOŚĆ ZADU	91	<i>Krótko</i>			<i>długa</i>
DŁUGOŚĆ ZADU	106	<i>Wąska</i>			<i>Szeroka</i>
POCHYLENIE ZADU	97	<i>Sklonny</i>			<i>Poziomy</i>
WYSOKOŚĆ	105	<i>Mały</i>			<i>Duży</i>

Wskaźnik **GŁĘBOKOŚCI TUŁOWIA** | **SZEROKOŚCI ZADU** nie są już indeksowane, ponieważ są silnie skorelowane z **GŁĘBOKOŚCIĄ KLATKI** i **SZEROKOŚCIĄ MIEDNICY**.

Wskaźnik **ROZMIAR** i **USTAWIENIE ZADU** są zawsze indeksowane, ale nie wchodzą do INDEKSU POKROJU.

> ŁĄCZNY INDEKS NOGI I RACICE

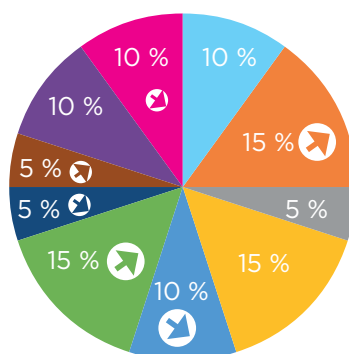
Wskaźnik **GRUBOŚĆ STAWU SKOKOWEGO** nie jest już indeksowana.

> ŁĄCZNY INDEKS WYMIENIA

WYMIE	132	<i>Słaby</i>		<i>Doskonały</i>
PRZÓD WYMIENIA	136	<i>Krótki</i>		<i>Długi</i>
WYSOKOŚĆ TYŁU WYMIENIA	116	<i>Niskie</i>		<i>Wysokie</i>
SZEROKOŚĆ TYŁU WYMIENIA	126	<i>Wąski</i>		<i>Szeroki</i>
ROZWÓJ	120	<i>Ważny</i>		<i>Słaby</i>
BALANS WYMIENIA	145	<i>Więcej z tyłu</i>		<i>Więcej wcześniej</i>
WIĘZADŁO WYMIENIA ROZM.	101	<i>Słaby</i>		<i>Mocny</i>
PRZED STRZYKÓW	113	<i>Szeroki</i>		<i>Wąski</i>
OZSTAW TYLNYCH OŚ STRZYKÓW	95	<i>Wąski</i>		<i>Szeroki</i>
ORIENTACJA STRZYKÓW	115	<i>Na zewnątrz</i>		<i>W środku</i>
STRZYKI	109	<i>Słaby</i>		<i>Doskonały</i>
DŁUGOŚĆ STRZYKÓW	102	<i>Długie</i>		<i>Krótkie</i>
KSZTAŁT STRZYKÓW	79	<i>Cienki</i>		<i>Gruby</i>

Nowa cecha **ROZSTAW TYLNYCH STRZYKÓW** integruje indeks wymienia do 5%. Im bardziej wartość jest wyższa niż 100, tym bardziej zostaną oddzielone tylne strzyki. Odwrotnie, wartość poniżej 100 odpowiada ciasnym strzykom.

WYSOKOŚĆ TYLNEGO ZAWIESZENIA | **WIĘZADŁO ŚRODKOWE** nabierają większej wagi w **INDEKSIE WYMIENIA**. **RÓWNOWAGA**, **ODLEGŁOŚĆ PRZEDNICH STRZYKÓW** i **Łączny** indeks strzyków zmniejszają ich wagę.



WYMIENIA

- PRZÓD WYMIENIA
- WYSOKOŚĆ TYŁU WYMIENIA
- SZEROKOŚĆ TYŁU WYMIENIA
- ROZWÓJ
- BALANS WYMIENIA
- WIĘZADŁO WYMIENIA ROZM.
- PRZED STRZYKÓW
- OZSTAW TYLNYCH OŚ STRZYKÓW
- ORIENTACJA STRZYKÓW
- STRZYKI

Nowa metoda szacowania: SINGLE STEP

Obecna metoda szacowania stosowana jest od ponad 10 lat.

Od kwietnia 2022 r. stosowana jest nowa metoda szacowania o nazwie SINGLE STEP. Została ona ustanowiona przez IDELE, GENEVAL, ALLICE i INRAE w ramach projektu UNIGENO i zajmuje się obliczaniem wskaźników ras francuskich. Ta metoda jest również stosowana na arenie międzynarodowej.



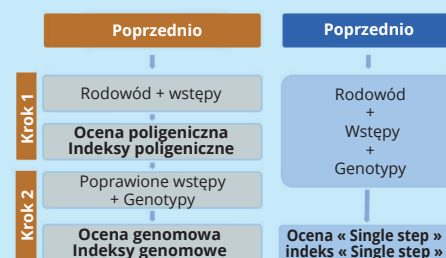
Dlaczego nowa metoda szacowania?

Od kilku lat genotypuje się coraz więcej zwierząt. Dzięki temu narzędziu dokonuje się wczesnej selekcji najlepszych zwierząt, zanim trafią one do produkcji, czy to na drodze samców, czy samic.

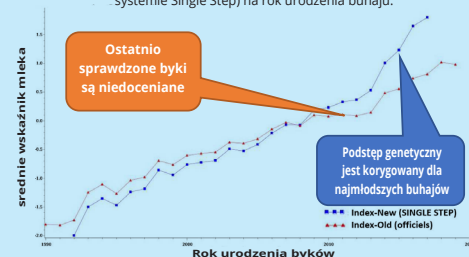
W ten sposób do produkcji wchodzi tylko najlepsze zwierzęta wybrane na podstawie oceny genomowej, co prowadzi do przeszacowania populacji referencyjnej i niedoszacowania indeksowanych zwierząt: nazywa się to uprzedzeniem preselekcji.

Celem Single Step jest skorygowanie tego błędu selekcji wstępnej poprzez uwzględnienie wszystkich informacji dostępnych dla wszystkich zwierząt, niezależnie od tego, czy wchodzi one do produkcji, czy nie.

Wraz z Single Step indeksy byków są ponownie oceniane w celu skorygowania błędu selekcji wstępnej.



Montbéliarde: Podstęp genetyczny wskaźnika Mlecznego w starym i nowym systemie Single Step) na rok urodzenia buhaju.



SINGLE STEP, jakie są najważniejsze zmiany?

- > Przejście z dwóch etapów do jednego: Single Step oznacza tylko jeden etap.
- > Uwzględnienie wszystkich genotypów w populacji referencyjnej
- > Unikalna baza szacowania, która ułatwia porównanie między genotypowanymi i niegenotypowanymi zwierzętami
- > Korekta błędów preselekcji

Jakie są punkty odniesienia w nowej skali dla wartości hodowlanych Waszych samic?

- > **Nowe punkty odniesienia, które będą definiować procentowy udział zwierząt na liście najlepszych osobników (dane Umotest).**

	ISU		TP		LAIT		MO		STMA	
	PRZED	AKTUALNIE	PRZED	AKTUALNIE	PRZED	AKTUALNIE	PRZED	AKTUALNIE	PRZED	AKTUALNIE
TOP 1%	145	167	+2.4	+3.6	+906	+1974	122	129	+1.6	+2.1
TOP 5%	136	156	+1.7	+2.6	+690	+1180	117	122	+1.1	+1.6
TOP 10%	131	150	+1.4	+2.1	+574	+1018	114	119	+0.9	+1.3
TOP 25%	122	139	+0.8	+1.3	+378	+739	110	113	+0.5	+0.8
TOP 50%	111	124	+0.2	+0.4	+157	+409	104	107	+0.1	+0.3

- > Porównanie indeksów samic ze względu na metody szacowania wartości hodowlanych (dane Umotest).